

AMR-Surveillance

15/05/2020, 11:00u, GoToMeeting

Aanwezig: (10)(2e) (LS), (10)(2e) (MM), (10)(2e) (JB, secr), (10)(2e) (EK, VZ),
 (10)(2e) (DN), (10)(2e) (AH), (10)(2e) (LW), (10)(2e) (MH)
 Afwezig: (10)(2e) (AS), (10)(2e) (SF), (10)(2e) (SG)

Opening door**Mededelingen****1. Notulen vorige keer**

Geen opmerkingen

AP 111 EcoCluster-037

De grens die IDS hanteert voor *E. coli* om te bepalen of 2 isolaten tot hetzelfde cluster behoren ligt bij 25 genen.

RIDOM hanteert een andere grenswaarde, waarschijnlijk tussen de 12 en de 14 genen en kijkt daarnaast ook naar minder genen (BSR wgMLST 4503 genen en RIDOM cgMLST 2513 genen).

DIS: weten wij welk schema er bij de meeste MML's gehanteerd wordt? Hier hebben wij op dit moment geen zicht op.

Harmonisatie is belangrijk om data met elkaar te kunnen vergelijken. De nieuwe werkgroep Type-Ned kan hier een rol inspelen. **AP 115** → **DIS**

Onlangs heeft (10)(2e) nog het klassieke MLST schema met 7 huishoudgenen toegevoegd aan zijn artikel. 3 Reviewers hadden hierom gevraagd.

2. Lopende zaken/signalenMeldingen SO-ZI/AMR

Melding MRSA uitbraak binnen een verpleeghuis is afgesloten

CPE Surveillance**Weekrapport 18-2020**

Geen weekrapporten. Er zijn geen/weinig isolaten ingestuurd.

MRSA surveillance

Geen Nieuws.

3. COVID-19 en azole resistente Aspergillus

Het is moeilijk om onderscheid te maken tussen een invasieve infectie en kolonisatie in de luchtwegen.

Bij COVID-19 patiënten worden tot nu toe veelal azolen gevoelige isolaten gevonden, hoewel (10)(2e) meldt dat er nu toch ook ongevoelige stammen worden ingestuurd. Er zijn al stammen van COVID-19 patiënten in het RIVM gesequenced.

4. COVID-19 en BRMO

(10)(2e) heeft een overzicht rondgestuurd met aantallen isolaten van COVID-19 patiënten voor MRSA en CPE.

MRSA isolaten is op dit moment nog maar de helft van de normale aantallen. Bij 8 van de ingestuurde isolaten is aangegeven dat het om een COVID-19 patiënt gaat. 4 isolaten zijn getypeerd en hebben alle 4 een ander MLVA-type.

Zien wij verschillen in:

- MRSA voor COVID
- MRSA tijdens COVID
- MRSA na COVID
- IC/non IC
- Wordt er een specifiek type gezien bij COVID-19 patiënten
- Retrospectief achterhalen of het isolaat afkomstig is van een COVID-19 patiënt → veel werk

(10)(2e) en (10)(2e) brengen het onderwerp in bij het ISIS-overleg en kijken wat er aan informatie nodig is. Niet alleen voor MRSA, maar breder trekken, ook CPE, VRE. AP116→ (10)(2e)

Er zijn 7 CPE isolaten ingestuurd die afkomstig zijn van COVID-19 patiënten, waarvan 1 carbapenemase producerend.

(10)(2e) geeft een korte samenvatting van een opiniestuk van (10)(2e) die de literatuur en de eigen ervaringen in Zwitserland (Geneve) op een rijtje heeft gezet. Het lijkt alsof COVID-19 tot minder AMR problemen aanleiding geeft, omdat er minder wordt gereisd, minder reguliere zorg is en betere infectiepreventie maatregelen zijn. Een artikel van (10)(2e) J Cox in het nieuwe Lancet Microbe (May 1, 2020) komt ook tot die conclusie en meldt daarbij dat ook het antibiotica gebruik bij (bewezen) COVID-19 patiënten steeds restrictiever begint te worden. Het is opvallend dat van de COVID-19 patiënten die overlijdt er 50% een bacteriële infectie heeft, maar niet door MDRO. In Nederland is een andere situatie en zal vooral op de IC door het gebruik van SDD een analyse nuttig zijn.

AP 110 Plasmid analyse EclCluster009 en Eco-Cluster002

PP sheet (10)(2e)

EcoCluster-002: OXA-48 ligt op het chromosoom

EclCluster-009: OXA-48 ligt op het plasmide

Is het mogelijk dat het gen van het plasmide naar het chromosoom is gegaan? Zou wel kunnen, maar lijkt niet erg waarschijnlijk omdat het hier om twee verschillende species gaat (*Enterobacter* en *E. coli*).

AP 112 EcoCluster053 TGS data

Bij 22007395 ligt het NDM op het plasmide
22008221_1 en 22008221_2 bij elkaar optellen, dan komt het dicht in de buurt van het
plasmide. Voorstel Leo verder onderzoek: Mapping

AP 104 EclCluster-021 en KpnCluster-074, epidemiologische link, plasmid analyse

Het Enterobacter plasmide is kleiner (871 baseparen), maar zijn 98-99% identiek.

Vervolg onderzoek: -plasmiden vergelijken en kijken naar mutaties
-Alignement en SNP analyse

5. Actiepunten

AP 99: geen nieuwe info. (10/2e) maakt samenvatting en dan afronden

AP 100: loopt, in een afrondende fase (10/2e) heeft een reactie van (10/2e) en nog 2 anderen
ontvangen)

AP 101: Loopt, met NVOG contact opnemen → (10/2e) en (10/2e) overleggen wie actie onderneemt

AP 104: Loopt

AP 110: Loopt

AP 111: Afgerond

AP 112: Loopt

AP 113: Leeftijd idd 1 maand bij insturen 1^{ste} isolaat en 2 maanden bij het 2^{de} isolaat, nog
geen melding in Osiris, afgerond

AP 114: Loopt

Rondvraag:

Geen

Volgende vergadering: 28 mei, 11.00u, GoTo-Meeting